

BON DE PRESCRIPTION D'ANALYSES DE GENETIQUE MOLECULAIRE DES HEMOPATHIES MALIGNES

PATIENT

Nom :
Nom de naissance :
Prénom :
Date de naissance :
Sexe :

PRESCRIPTEUR

Hôpital :
Service demandeur :
Médecin prescripteur :

PRELEVEMENT

Date du prélèvement :
Nature du prélèvement :
 Sang (EDTA) Moelle osseuse (EDTA) Ganglion Autre (préciser) :

RENSEIGNEMENTS CLINIQUES (A renseigner impérativement)

En l'absence de renseignement clinique, les résultats ne pourront être validés

Pathologie:

- | | |
|---|---|
| <input type="checkbox"/> Leucémie Myéloïde Chronique | <input type="checkbox"/> Thrombocytémie Essentielle |
| <input type="checkbox"/> Polyglobulie de Vaquez | <input type="checkbox"/> Myélofibrose primitive |
| <input type="checkbox"/> Syndromes Hyperéosinophiliques | <input type="checkbox"/> Mastocytose |
| <input type="checkbox"/> Syndromes Myélodysplasiques | <input type="checkbox"/> Syndromes Myéloprolifératifs/Myélodysplasiques |
| <input type="checkbox"/> Leucémie Aiguë Lymphoblastique de type : | <input type="checkbox"/> Leucémie Aiguë Myéloblastique de type : |
| <input type="checkbox"/> Lymphome folliculaire | <input type="checkbox"/> Lymphome du manteau: |
| <input type="checkbox"/> Leucémie Lymphoïde Chronique | <input type="checkbox"/> Maladie de Waldenström |
| <input type="checkbox"/> Autre (à préciser) : | |

Stade de la maladie:

- Diagnostic confirmé
 Diagnostic suspecté
 Suivi
Traitement (à préciser) :

LEUCEMIE MYELOIDE CHRONIQUE

Prescription accompagnée obligatoirement d'un résultat de NFS

- Recherche d'un réarrangement *BCR-ABL1*
 Quantification des ARNm *BCR-ABL1* en unité internationale ou IS (*e13a2, e14a2*)
 Quantification des ARNm *BCR-ABL1* rares (*e6a2, e19a2, autres*)
 Mutations du domaine tyrosine kinase de *BCR-ABL1*

**LYMPHOMES MALINS NON HODGKINIENS
SYNDROMES LYMPHOPROLIFERATIFS**

Prescription accompagnée obligatoirement du nombre de lymphocytes et du phénotype

- Recherche du réarrangement *IgH-BCL1*
 Recherche du réarrangement *IgH-BCL2*
 Expression de la *Cycline D1*
 Recherche de la mutation L265P de *MYD88*

**SYNDROMES MYELOPROLIFERATIFS (HORS LMC)
SYNDROMES MYELODYSPLASIQUES (SMD)**

Prescription accompagnée obligatoirement d'un résultat de NFS

- Recherche de la mutation *JAK2 V617F*
 Quantification des allèles *JAK2 V617F*
 Recherche des insertions/délétions de *CALR*
 Recherche des mutations W515L/K de *MPL*
 Recherche du réarrangement *FIP1L1-PDGFR α*
 Recherche du réarrangement *TEL-PDGFR β*
 Recherche du réarrangement *ZNF198-FGFR1*
 Recherche de la mutation D816V de *c-KIT*
 Autre recherche (à préciser) :

LEUCEMIES AIGUES - DIAGNOSTIC

**Prescription accompagnée obligatoirement du type FAB (LAM), du phénotype (LAL)
et du pourcentage de blastes dans le prélèvement analysé (LAM et LAL)**

- | | |
|--|---|
| <input type="checkbox"/> Plaque LAM
(PML-RARa, CBFβ-MYH11, AML1-ETO, WT1) | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement MLL-AF9 |
| <input type="checkbox"/> Recherche des ITD de FLT3 | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement MLL-AF10 |
| <input type="checkbox"/> Recherche des mutations D835 de FLT3 | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement MLL-ENL |
| <input type="checkbox"/> Recherche des mutations de NPM1 | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement MLL-ELL |
| <input type="checkbox"/> Plaque LAL adulte
(BCR-ABL1 Mbc, BCR-ABL1 mbc, TEL-AML1, E2A-PBX, SIL-TAL, MLL-AF4) | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement DEK-CAN |
| <input type="checkbox"/> Plaque LAL pédiatrique
(réarrangements BCR-ABL1 Mbc, BCR-ABL1 mbc, TEL-AML1, E2A-PBX, E2A-HLF, SIL-TAL, MLL-AF4) | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement CALM-AF10 |
| <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement MLL-AF6 | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement NPM1-MLF1 |
| | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement NUP98-LEDGF |
| | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement TEL-EVI1/MDS1 |
| | <input type="checkbox"/> Recherche du réarrangement BCR-JAK2 |
| | <input type="checkbox"/> Autre recherche (préciser) : |

SUIVI MOLECULAIRE DES LEUCEMIES AIGUES

Si patient non connu, antériorité indispensable

- | | |
|---|--|
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm BCR-ABL1 (mbc) | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm CBFβ-MYH11 |
| <input type="checkbox"/> Mutations du domaine tyrosine kinase de BCR-ABL1 | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm AML1-ETO |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm TEL-AML1 | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm CALM-AF10 |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm E2A-PBX | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm DEK-CAN |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm E2A-HLF | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm NPM1-MLF1 |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm SIL-TAL | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm NUP98-LEDGF |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm PML-RARa | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm TEL-EVI1/MDS1 |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm MLL-AF4 | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm WT1 |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm MLL-AF6 | <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm NPM1 mutés |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm MLL-AF9 | <input type="checkbox"/> Quantification autre (à préciser) : |
| <input type="checkbox"/> Quantification des ARNm MLL-AF10 | |

NGS (Séquençage moyen débit ciblé)

Nécessité d'un avis en RCP et d'une entente préalable avec le laboratoire

Gène	Exons analysés	Gène	Exons analysés	Gène	Exons analysés	Gène	Exons analysés
ABL1	4 - 6	DNMT3A	Totalité	KDM6A/UTX	Totalité	RUNX1	Totalité
ASXL1	12	ETV6/TEL	Totalité	KIT	2, 8, 9, 10, 11, 13, 17	SETBP1	4 (partiel)
ATRX	8 - 10, 17 - 31	EZH2	Totalité	KRAS	2, 3	SF3B1	13 - 16
BCOR	Totalité	FBXW7	9 - 11	MLL	5 - 8	SMC1A	2, 11, 16, 17
BCORL1	Totalité	FLT3	14, 15, 20	MPL	10	SMC3	10, 13, 19, 23, 25, 28
BRAF	15	GATA1	2	MYD88	3 - 5	SRSF2	1
CALR	9	GATA2	2 - 6	NOTCH1	26, 27, 28, 34	STAG2	Totalité
CBL	8, 9	GNAS	8, 9	NPM1	12	TET2	3 - 11
CBLB	8, 10	HRAS	2, 3	NRAS	2, 3	TP53	2 - 11
CBLC	8, 11	IDH1	4	PDGFRA	12, 14, 18	U2AF1	2, 6
CDKN2A	Totalité	IDH2	4	PHF6	Totalité	WT1	7, 9
CEBPA	Totalité	IKZF1	Totalité	PTEN	5, 7	ZRSR2	Totalité
CSF3R	14 - 17	JAK2	12, 14	PTPN11	3, 13		
CUX1	Totalité	JAK3	13	RAD21	Totalité		

En orange : gènes faisant partie de la liste de l'INCa (panels leucémies, lymphomes et syndromes lymphoprolifératifs)